



Holbergsgade 6  
DK-1057 København K

T +45 7226 9000  
F +45 7226 9001  
M sum@sum.dk  
W sum.dk

## Folketingets Sundhedsudvalg

Dato: 01-09-2021  
Enhed: BESS  
Sagsbeh.: DEPKROI  
Sagsnr.: 2017483  
Dok. nr.: 1860162

Folketingets Sundheds- og Ældreudvalg har den 4. december 2020 stillet følgende spørgsmål nr. 459 (Alm. del) til sundheds- og ældreministeren, som hermed besvares endeligt af sundhedsministeren. Spørgsmålet er stillet efter ønske fra Alex Vanopslagh (LA).

Spørgsmål nr. 459:

”Med den viden, man har i dag om vaccineindsatsen, vil ministeren da vurdere, at cluster-5 udgør et væsentligt problem for udviklingen af en effektiv vaccine?”

Svar:

Til brug for besvarelse af spørgsmålet er der indhentet nedenstående bidrag fra Sta-tens Serum Institut (SSI) og Sundhedsstyrelsen (SST), som jeg henholder mig til.

”SSI gennemførte i efteråret 2020 foreløbige studier af cluster-5 (1). Det fremgik heraf, at cluster-5 viste tegn på resistens over for antistoffer. Som opfølgning på disse foreløbige studier har SSI netop gennemført opfølgende undersøgelser, som verificerer fundene fra studierne i efteråret 2020.

Cluster-5 havde 11 aminosyreændringer, heraf 5 aminosyreændringer i det vigtige spikeprotein, som er det primære mål for beskyttende antistoffer, og varianten havde spredt sig til 5 minkfarme.

Den nye undersøgelse konkluderer, at kombinationen af spikemutationerne i cluster-5-virus medførte en vis signifikant øget grad af antistofresistens hos en del personer efter overstået covid-19-infektion. Hermed bekræftes fundene i de foreløbige undersøgelser.

Det kan tilføjes, at det efterfølgende er set, at nogle cluster-5-minkvirus er fortsat med at mutere, så der er påvist seks aminosyreændringer i spikeproteinet. Den yderligere muterede variant er ikke undersøgt, men viser, at minkvarianterne fortsatte med at mutere gennem inficerede mink.

Resultaterne af de nye undersøgelser er fagfællebedømt og fremlagt i en artikel, som er publiceret i det videnskabelige tidsskrift *Frontiers in Microbiology* den 25. juni 2021 (2).

Artiklen anbefaler overvågning af zoonotiske SARS-CoV-2-infektioner i modtagelige dyr, og det pointeres særligt, at flokke af produktionsdyr bør kontrolleres, begrænses,

<sup>1</sup> hCoV-19/Denmark/DCGC-3024/2020 tilhørende varianterne under samlebetegnelsen B.1.1.298.

<sup>2</sup> [https://www.frontiersin.org/articles/10.3389/fmicb.2021.698944/full?utm\\_source=Email\\_to\\_authors&utm\\_medium=Email&utm\\_content=T1\\_11.5e1\\_author&utm\\_campaign=Email\\_publication&field=&journalName=Frontiers in Microbiology&id=698944](https://www.frontiersin.org/articles/10.3389/fmicb.2021.698944/full?utm_source=Email_to_authors&utm_medium=Email&utm_content=T1_11.5e1_author&utm_campaign=Email_publication&field=&journalName=Frontiers%20in%20Microbiology&id=698944)

og nøje overvåges gennem sekventering for at identificere nye virusvarianter af bekymring eller under observation for øget sygelighed, øget spredning og smitsomhed samt øget antistofresistens.

Minkvarianterne er ikke blevet påvist siden uge 3 2021 (Danish Covid-19 Genome Consortium ([covid19genomics.dk](https://covid19genomics.dk))).

Cluster-5 kom i sig selv dermed ikke til at udgøre et væsentlig problem i forhold til udvikling af vacciner. Men med et vedvarende smittereservoir i mink og smitte imellem mink og mennesker ville der kunne opstå varianter med endnu flere mutationer og mere udtalt resistens over for antistoffer, der ville kunne udgøre et væsentligt problem for udvikling af vacciner.”

Med venlig hilsen

Magnus Heunicke / Katja Roitmann